



HAL
open science

Détermination du sexe

Élodie Grégoire, Marie-Cécile de Cian, Mélanie Detti, Isabelle Gillot, Aitana Perea-Gomez, Marie-Christine Chaboissier

► **To cite this version:**

Élodie Grégoire, Marie-Cécile de Cian, Mélanie Detti, Isabelle Gillot, Aitana Perea-Gomez, et al.. Détermination du sexe. *Médecine/Sciences*, 2024, 40 (8-9), pp.627-633. <10.1051/medsci/2024095>. <hal-04704641>

HAL Id: hal-04704641

<https://hal.science/hal-04704641v1>

Submitted on 21 Sep 2024

HAL is a multi-disciplinary open access archive for the deposit and dissemination of scientific research documents, whether they are published or not. The documents may come from teaching and research institutions in France or abroad, or from public or private research centers.

L'archive ouverte pluridisciplinaire **HAL**, est destinée au dépôt et à la diffusion de documents scientifiques de niveau recherche, publiés ou non, émanant des établissements d'enseignement et de recherche français ou étrangers, des laboratoires publics ou privés.



HAL Authorization

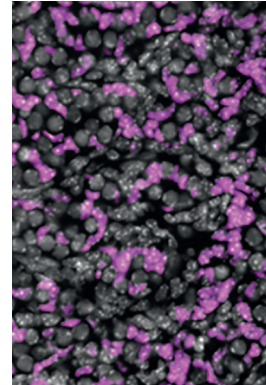
► Le sexe de l'embryon est décidé au moment de la fécondation par la transmission paternelle du chromosome sexuel X ou Y, tandis que la mère fournit un de ses deux chromosomes X. La différenciation sexuelle débute par le processus de détermination du sexe, qui va permettre le développement de l'ébauche gonadique soit en testicule, chez l'embryon XY, soit en ovaire, chez l'embryon XX. Le gène *Sry*, localisé sur le chromosome Y, nécessaire et suffisant pour induire le programme de développement masculin, a été découvert en 1990, et la communauté scientifique pensait alors que les autres gènes impliqués dans le processus de détermination du sexe seraient rapidement identifiés. Il aura cependant fallu plus de 30 ans pour identifier le facteur déterminant la différenciation ovarienne, une isoforme de *WT1* appelée -KTS. Cette protéine est nécessaire pour induire le développement de l'ovaire chez les souris XX, et peut empêcher le développement masculin lorsqu'elle est activée prématurément chez les embryons XY. L'isoforme -KTS de *WT1* agissant très tôt au cours du développement, sa découverte ouvre de nouvelles perspectives de recherche sur le développement ovarien et permettra de mieux comprendre les réseaux de gènes impliqués dans certaines altérations du développement du sexe. ◀

La détermination du sexe est un processus de développement encore partiellement compris. Les premières traces de la question de l'origine du sexe de l'individu remontent à environ 2000 ans avant Jésus Christ [1], mais il faudra attendre la fin du XIX^e siècle pour que les cytologistes allemand Hermann Paul August Otto Henking (1858-1942) et américain Clarence

Détermination du sexe

Chaque chose en son temps !

Élodie Grégoire, Marie-Cécile De Cian, Mélanie Detti, Isabelle Gillot, Aitana Perea-Gomez, Marie-Christine Chaboissier



Université Côte d'Azur, Inserm, CNRS, Institut de Biologie Valrose (iBV), Nice, France.
marie-christine.chaboissier@univ-cotedazur.fr

Erwin Mc Clung (1870-1946) suggèrent qu'un chromosome peut être impliqué dans ce processus. En 1905, les généticiens américains Nettie Maria Stevens (1861-1912) et Edmund Beecher Wilson (1856-1939) identifient le chromosome sexuel Y chez les insectes, et proposent que ce chromosome soit responsable de la différenciation sexuelle. À la fin des années 1950, les travaux de Charles E. Ford et de ses collègues établissent que les femmes ont deux chromosomes X et que les hommes ont un chromosome X et un chromosome Y, ce dernier « déterminant » le développement masculin [2]. Le système XX/XY de détermination du sexe venait ainsi de voir le jour. Ce système régit la différenciation entre mâles et femelles chez la plupart des mammifères, à l'exception de quelques espèces de rongeurs, comme le rat *Tokudaia osimensis* de l'île de Tokunoshima au Japon, pour lequel le caryotype des mâles, X0, comporte un chromosome X et pas de chromosome Y [3].

Les différentes étapes de la détermination du sexe

Le sexe est décidé dès la fécondation, avec l'héritage, transmis par le père au zygote¹, soit du chromosome X, soit du chromosome Y. La détermination du sexe, dite primaire ou gonadique, est le processus qui permet à la gonade bipotentielle (la future glande sexuelle) de se différencier soit en ovaire chez un embryon XX, soit en testicule chez un embryon XY, selon un programme génétique spécifique. Cette étape est essentielle car elle conditionne l'ensemble du développement sexuel de l'individu, en particulier la différenciation des ébauches

Vignette (© Marie-Christine Chaboissier).

¹ Nom donné à l'œuf fécondé, avant la première division cellulaire.

des organes génitaux : canaux de Müller (précurseurs des structures femelles) et canaux de Wolff (précurseurs des structures mâles) [4]. Après la détermination du sexe gonadique et la formation des ovaires ou des testicules, les organes génitaux internes (trompes de Fallope ou oviductes, utérus et vagin chez les femelles, et épидидymes, canaux déférents, prostate et vésicules séminales chez les mâles) et les organes génitaux externes (clitoris et lèvres chez les femelles, pénis et scrotum chez les mâles) se différencient ou régressent en fonction du sexe de l'individu. On parle alors de détermination du sexe secondaire. C'est l'extrapolation de l'observation du développement des organes génitaux externes au processus de développement gonadique qui est vraisemblablement à l'origine du dogme selon lequel le sexe féminin est une voie par défaut, c'est-à-dire qui se produit « automatiquement » en l'absence du chromosome Y.

À la fin des années 1940, et au début des années 1950, les expériences de l'endocrinologue français Alfred Jost (1916-1991) visaient à comprendre les mécanismes impliqués dans la différenciation des voies génitales [5]. Des expériences d'ovariectomie (ablation des ovaires) et d'orchidectomie (ablation des testicules) après l'étape de détermination du sexe gonadique avaient alors été réalisées sur des fœtus de lapin sexés, selon la morphologie de leur gonade. Alfred Jost observa que chez les individus mâles dépourvus de testicules, les canaux de Wolff, précurseurs du tractus génital interne mâle, régressaient, démontrant que leur développement normal requiert un facteur synthétisé par le testicule. À l'inverse, les canaux de Müller, précurseurs du tractus génital femelle, persistaient chez les mâles après ablation de leurs testicules, ce qui indiquait que leur régression nécessite également un facteur testiculaire. Ces facteurs testiculaires sont respectivement, les androgènes, principalement la testostérone, responsables du développement des canaux de Wolff, et l'hormone anti-müllérienne, responsable de la régression des canaux de Müller, deux hormones synthétisées par le testicule. Ainsi, la présence des testicules impose la différenciation masculine à l'ensemble de l'appareil reproducteur extra-gonadique, qui sera féminisé en leur absence, la présence ou l'absence d'ovaires ne jouant pas de rôle dans ce contexte [6]. Ces travaux ne préjugeaient cependant rien de l'existence d'un gène directement responsable de la détermination ovarienne.

Découverte du déterminant testiculaire

Le début des années 1990 vit une avancée considérable dans notre compréhension du système XX/XY de détermination du sexe, avec l'identification du déterminant testiculaire chez l'homme et chez la souris [7-9]. Comme anticipé, il s'agit d'un gène localisé sur le chromosome Y. Ce gène, appelé *SRY* (*sex-determining region Y*), fut identifié par l'analyse moléculaire des cas « d'inversion » de sexe, qui résulte d'une divergence entre le sexe génétique et le sexe anatomique (mâles XX et femelles XY). Ces travaux révélèrent en effet des mutations *de novo* dans le cadre de lecture du gène *SRY* chez les individus de phénotype féminin malgré un caryotype XY,

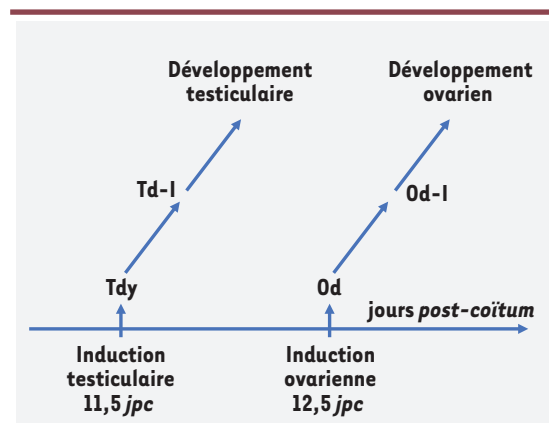


Figure 1. Modèle simplifié de la détermination du sexe selon Eva M. Eicher et Linda L. Washburn [11, 39]. Le développement testiculaire est induit par les facteurs *Tdy* (*Testis-determining gene*) et *Td-I* (*Testis determining-1*) à partir de 11,5 jours post-coïtum (jpc), alors que le développement ovarien débute à 12,5 jpc par l'activation de *Od* (*Ovary determining*) et *Od-I* (*Ovary determining-1*).

et la présence d'une région du chromosome Y contenant *SRY* chez la plupart des individus de phénotype masculin malgré un caryotype XX. La preuve que le gène *Sry* est suffisant pour initier le développement mâle fut apportée en 1991 par des expériences de transgénèse additive² de *Sry* chez des souris XX [10]. La découverte de *SRY* a renforcé l'idée que la différenciation femelle se produisait par défaut : si l'individu possède un gène *SRY* fonctionnel, il deviendra un mâle et, dans le cas contraire, une femelle, laissant supposer que l'existence d'un déterminant ovarien est inutile. Néanmoins, les chercheuses américaines Eva M. Eicher et Linda L. Washburn (*The Jackson Laboratory*, Bar Harbor, États-Unis) avaient déjà proposé, en 1983, une explication différente de la détermination du sexe [11]. Selon ces auteures, le déterminant testiculaire prédit sur le chromosome Y, nommé *Tdy* (*testis-determining locus on the Y chromosome*) – *Sry* n'avait pas encore été identifié –, active l'expression d'un gène nécessaire au développement testiculaire, appelé alors *Td-I*, et identifié depuis comme étant le gène *Sox9* (*SRY-box transcription factor 9*) (*Figure 1*). Le déterminant ovarien (*Od*, *ovary-determining gene*), localisé sur le chromosome X ou sur un autosome³, active, quant à lui, l'expression d'un gène nommé *Od-I*, un gène tel que *Foxl2* (*forkhead box L2*), nécessaire au développement de l'ovaire. Cependant, la déficience des déterminants testiculaires *Sry* (ou *Sox9*) chez la souris XY pouvant conduire à l'obtention de femelles XY fertiles [12,13], *Od* devait également être exprimé dans le testicule pour permettre le

² Intégration et expression d'un ADN exogène dans le génome de la souris

³ Chromosome « non sexuel », c'est-à-dire autre que X et Y.

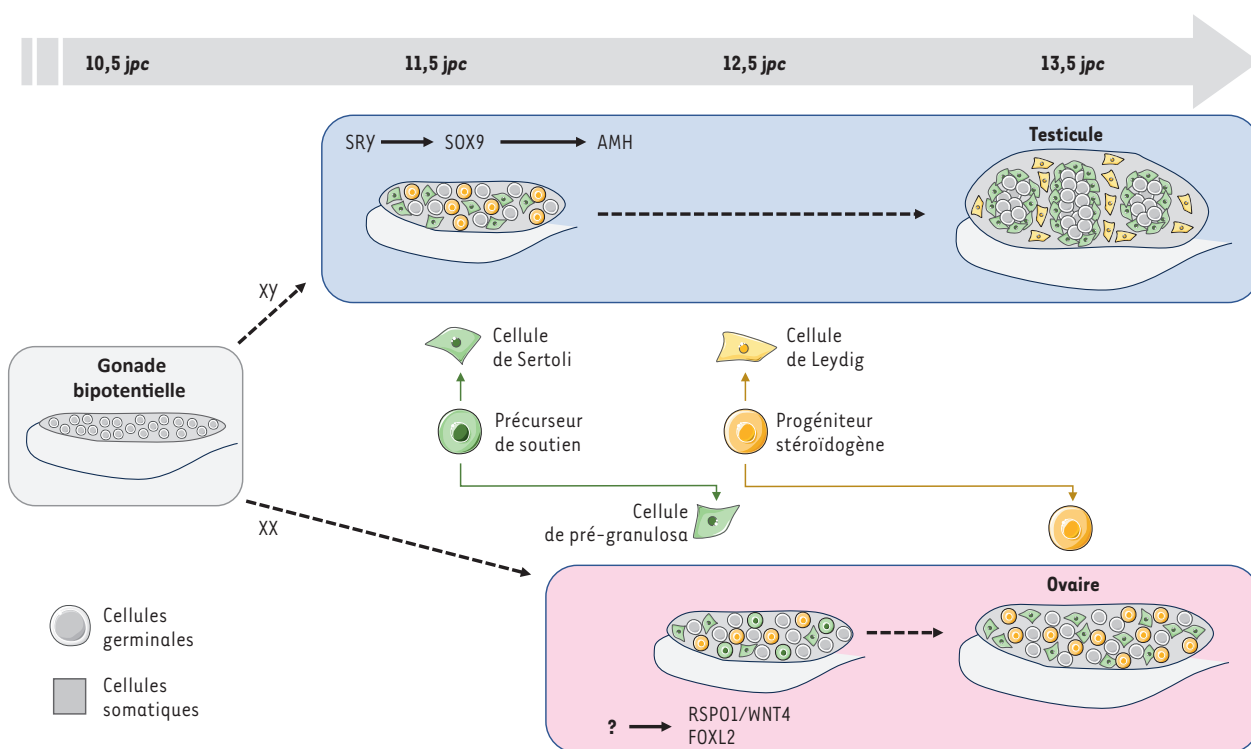


Figure 2. Représentation schématique du processus de détermination du sexe gonadique associant les principaux gènes impliqués et la différenciation cellulaire. Schéma réalisé en utilisant notamment des images de Servier Medical Art, sous licence Creative Commons Attribution 3.0 (<https://creativecommons.org/licenses/by/3.0/>).

développement d'ovaires lorsque *Sry* (ou *Sox9*) est déficient. Pour garantir la différenciation des testicules, *Tdy* doit donc être actif avant *Od*. Selon cette hypothèse, si l'expression de *Tdy/Sry* est inhibée ou retardée, ou si l'expression de *Od* est activée avant celle de *Tdy*, la gonade bipotentielle pourra devenir un ovaire chez un individu de caryotype XY.

Différences de développement sexuel

Les différences de développement sexuel (*disorders of sex development*, DSD) constituent un groupe hétérogène d'altérations congénitales de l'appareil génital, caractérisées par divers symptômes, tels que la cryptorchidie (non descente des testicules dans le scrotum) ou des anomalies plus ou moins sévères dans la formation ou la fonction des gonades, ou dans la production ou la sensibilité aux hormones sexuelles [14]. L'inversion de sexe, ou dysgénésie gonadique complète, est un cas rare de DSD, caractérisé par une anomalie partielle ou complète du développement des organes génitaux [15,16]. Actuellement, moins de 50 % des personnes atteintes d'un syndrome de 46,XY DSD⁴ et moins de 20 % des personnes atteintes d'un

syndrome de 46,XX DSD reçoivent un diagnostic génétique [15, 17], établi par un séquençage ciblé de gènes associés à ces dysgénésies et d'autres gènes candidats [17]. Au-delà des anomalies du développement de l'appareil génital, les DSD ont de nombreuses conséquences, notamment, des difficultés à assigner un sexe biologique aux individus atteints, des problèmes hormonaux, la stérilité et un risque accru de cancers génitaux, mais aussi de cancers touchant d'autres organes, dont l'incidence dépend du sexe. Connaître les facteurs clés de la différenciation des gonades est donc essentiel pour compléter la liste des gènes dont les mutations doivent être recherchées au cours de la démarche diagnostique.

Pour confirmer l'implication d'un gène candidat responsable de DSD, le modèle animal couramment utilisé est la souris, chez laquelle des mutations perte-de-fonction (par délétion de gène [*knock-out*, KO]) ou gain-de-fonction (addition de copies de gène [*gain of function*, GOF]) d'un gène peuvent être introduites. Les analyses phénotypiques de ces modèles permettent de déterminer si les mutations introduites affectent la différenciation de la gonade.

⁴ Qui se traduit par la présence d'organes génitaux externes et internes féminins malgré un caryotype masculin. Le 46,XX DSD, à l'inverse, se traduit par un phénotype masculin malgré un caryotype féminin.

Le développement de la gonade et ses principaux acteurs

La détermination du sexe primaire a lieu entre la 5^e et la 7^e semaine de grossesse chez l'Homme, et entre le 11^e et le 12^e jour de gestation (jour *post-coitum*, *jpc*) chez la souris. La gonade est formée de différentes lignées cellulaires, dont les principales sont les cellules germinales, les cellules de soutien, nécessaires à la maturation des cellules germinales (cellules de la granulosa pour une gonade XX, ou cellules de Sertoli pour une gonade XY), et les cellules interstitielles, comprenant notamment les cellules stéroïdogènes et les cellules vasculaires [18] (Figure 2). Les cellules de soutien jouent un rôle clé dans la détermination du sexe car elles constituent la première lignée cellulaire somatique différenciée dans la gonade, et elles contrôlent ensuite le devenir des autres lignées cellulaires. À 10,5 *jpc*, les cellules progénitrices des cellules de soutien, situées dans l'épithélium cœlomique qui recouvre les ébauches gonadiques, migrent dans le mésenchyme sous-jacent pour former la gonade bipotentielle. À ce stade, les cellules de soutien sont spécifiées, mais pas encore sexuellement différenciées (on parle alors de cellules de soutien « bipotentielles »). Jusqu'à 11,5 *jpc*, l'expression de *Sry* dans ces cellules chez les souris XY induit une expression robuste de *Sox9* et leur différenciation en cellules de Sertoli [19, 20] : la protéine SOX9 est ainsi considérée comme le marqueur précoce des cellules de Sertoli. Elles vont alors s'agréger, entourer les cellules germinales primordiales pour former les cordons testiculaires, futurs tubes séminifères, et bloquer l'induction de la spermatogenèse durant la phase embryonnaire. À 12,5 *jpc*, le testicule devient identifiable par la présence de deux tissus distincts, les cordons testiculaires et les régions interstitielles, dans lesquelles vont se différencier les cellules stéroïdogènes, ou cellules de Leydig, qui contribuent à la synthèse de la testostérone. Le stock de cellules de Sertoli est alors défini, ce qui influencera la taille du testicule définitif [21].

Chez les souris XX, la différenciation ovarienne débute plus tardivement, aux alentours de 12 ou 12,5 *jpc*, avec la différenciation des cellules de la pré-granulosa [22, 23], ainsi nommées car dans cette espèce, la formation des follicules ovariens n'a lieu qu'après la naissance (alors que dans l'espèce humaine, la folliculogenèse débute *in utero*). Peu de modifications morphologiques se produisent dans l'ovaire murin jusqu'à l'entrée en méiose, à 13,5 *jpc*, des cellules germinales, qui seront ensuite bloquées en prophase I à la naissance.

Dans les années 2000, trois acteurs majeurs du développement ovarien ont été identifiés : le gène *Foxl2*, codant un facteur de transcription, et deux gènes activateurs de la voie de signalisation WNT/ β -caténine dans la gonade, *Wnt4* et *Rspo1* (codant la R-spondine 1) [24]. Les mutations affectant ces trois gènes sont sans effet sur l'initiation du développement ovarien, mais ces gènes perturbent pour son maintien. Dans l'espèce humaine, les mutations hétérozygotes de *FOXL2* sont responsables d'un syndrome caractérisé par des anomalies des paupières (*blepharophimosis*, *ptosis*, *epicanthus inversus*) [25]. Les femmes présentant ce syndrome peuvent être affectées par une insuffisance ovarienne prématurée, en raison de la formation d'un

stock insuffisant de follicules ovariens au cours du développement fœtal, d'une perte prématurée des follicules, ou d'une insensibilité aux gonadotrophines. Chez la souris, *Foxl2* est exprimé spécifiquement dans les cellules de soutien à partir de 12,0 *jpc*, et constitue un marqueur de différenciation sexuelle femelle des cellules de pré-granulosa [26]. Les souris XX dont le gène *Foxl2* a été délété (souris *Foxl2*^{-/-}) présentent une stérilité résultant du blocage de la croissance des follicules ovariens.

Dans l'espèce humaine, les mutations homozygotes de *WNT4* et de *RSPO1* chez des individus de caryotype 46,XX se traduisent généralement par la formation d'une gonade hybride, ou *ovotestis*, contenant une partie ovarienne et une partie testiculaire [27, 28]. Chez la souris, *Wnt4* et *Rspo1* sont exprimés dans les cellules progénitrices de la gonade et stimulent leur prolifération dans les deux sexes ; leur expression est ensuite réprimée dans la gonade XY, à 11,5 *jpc*, et maintenue dans la gonade XX [29]. L'étude des phénotypes murins associés aux mutations perte-de-fonction de ces gènes a montré que l'initiation de la différenciation ovarienne est amorcée, avec la différenciation de cellules de pré-granulosa, mais à mi-gestation (à partir de 16,5 *jpc*), une proportion de ces cellules se transdifférencie en cellules de Sertoli, à l'origine de la formation d'un *ovotestis* [30, 31]. Ces résultats montrent l'importance du gène *Foxl2* et de la voie de signalisation WNT/ β -caténine dans le maintien du développement ovarien. Ils ne fournissent cependant pas d'informations sur l'initiation de la cascade moléculaire à l'origine de la différenciation de la gonade bipotentielle en ovaire.

À la recherche du déterminant ovarien

Dans l'hypothèse où il existe un déterminant ovarien, certaines de ses caractéristiques peuvent être prédites. Comme l'ont proposé Eicher et Washburn, ce gène peut être localisé sur n'importe quel chromosome (autosome ou chromosome X) à l'exception du chromosome Y, et son activation doit avoir lieu après le pic d'expression de *Sry*, dans les gonades XX et XY. Sa déficience doit induire un blocage du développement de l'ovaire chez les individus XX, mais pas une inversion de sexe car la protéine SRY est absente chez ces individus. S'il est exprimé précocement, il pourrait antagoniser *Sry* et favoriser le développement d'un ovaire chez les individus XY. On peut également prédire que le rôle du facteur qu'il code serait conservé dans de nombreuses espèces, à l'image de *Sry* et de *Sox9* pour la détermination testiculaire.

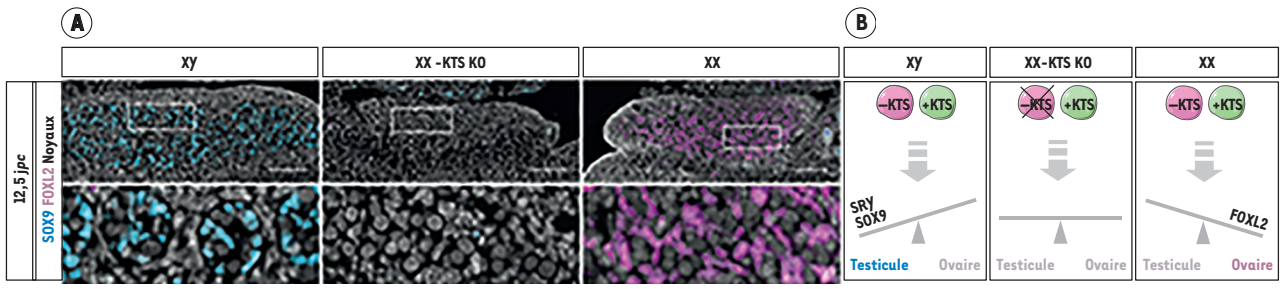


Figure 3. Absence de développement ovarien dans une gonade de souris XX déficiente pour l'isoforme-KTS du gène *Wt1* (XX-KTS KO). **A.** Expression d'un marqueur des cellules de Sertoli (SOX9, en cyan) du testicule et d'un marqueur des cellules de pré-granulosa (FOXL2, en magenta) de l'ovaire à 12,5 jours *post coïtum* (jpc). Barre d'échelle : 100 μ m. **B.** Schéma de synthèse du devenir gonadique associé aux génotypes. KO : *knock out*.

Le gène *WT1* (*Wilms' tumor 1*), identifié en 1990 par l'équipe de David Housman (*Massachusetts Institute of Technology*, Cambridge, États-Unis), présente les caractéristiques d'un tel gène [32]. Des délétions de la région du chromosome 11 (11p13) contenant les gènes *WT1* et *PAX6* (*paired box 6*) sont associées au syndrome WAGR (*Wilms tumor, aniridia, genitourinary anomalies, mental retardation syndrome*), qui se caractérise par une combinaison de tumeur de Wilms⁵, d'aniridie⁶, d'anomalies génitales et de retard mental [33]. Par ailleurs, des mutations ponctuelles affectant l'exon 9 de *WT1* entraînent, chez un grand nombre de patients de caryotype 46,XY, des anomalies de la fonction rénale et la présence d'organes génitaux féminins (syndrome de Frasier) [34].

Deux sites d'épissage alternatif, situés à la fin de l'exon 9 de *WT1* et conservés chez les vertébrés [35], sont à l'origine des deux principales isoformes de *WT1*, qui ne diffèrent que par la présence ou l'absence des trois acides aminés lysine (K), thréonine (T) et sérine (S). Les isoformes dépourvues de ce triplet KTS, appelées -KTS, sont des facteurs de transcription nécessaires pour induire ou réprimer l'expression d'autres gènes. La synthèse de l'isoforme -KTS est en compétition avec celle de l'isoforme +KTS, qui contient les trois acides aminés KTS, et un équilibre régule leur production. Dans le syndrome de Frasier, cet équilibre est déplacé en faveur de l'isoforme -KTS [34]. En 2001, l'équipe dirigée par Andreas Schedl (institut de biologie Valrose, université Côte d'Azur) a reproduit chez la souris le phénotype de dysfonctionnement rénal et de féminisation des organes génitaux du syndrome de Frasier en introduisant dans le gène *WT1* une mutation empêchant la synthèse de l'isoforme +KTS [36]. L'augmentation de l'isoforme -KTS de *WT1*, ou l'absence de l'isoforme +KTS, pourrait donc être impliquée dans la détermination du sexe.

WT1-KTS est un, sinon le déterminant ovarien

Pour étudier le rôle de *WT1* dans la détermination du sexe, nous avons réexaminé les modèles de souris *knock-out* pour les iso-

formes KTS [36]. En l'absence de l'isoforme -KTS, la différenciation des gonades est bloquée dans les deux sexes, et chez les embryons XX dépourvus de -KTS, le programme femelle n'est pas activé (Figure 3). Les gonades portant la délétion restent dans un état indifférencié et ne se développent pas en ovaires [37]. Il semble donc que l'isoforme -KTS est nécessaire à l'initiation de la différenciation ovarienne.

Dans le modèle murin du syndrome de Frasier, la mutation empêchant la synthèse de l'isoforme +KTS induit une augmentation de la production de l'isoforme -KTS. L'excès de cette isoforme stimule prématurément la différenciation ovarienne, empêchant l'activation du gène *Sry* et la différenciation testiculaire des gonades XY, ce qui conduit à l'inversion de sexe décrite dans le syndrome de Frasier (Figure 4). La production d'embryons XY transgéniques contenant des copies supplémentaires du gène codant l'isoforme -KTS entraîne également une inversion du sexe, avec le développement d'ovaires. L'ensemble de ces résultats permet d'écarter l'implication de +KTS dans l'initiation du développement ovarien, et constitue une preuve que l'isoforme -KTS est nécessaire et suffisante pour induire le destin ovarien de la gonade bipotentielle (Figure 5).

Conclusion

L'isoforme -KTS de *WT1*, qui rassemble toutes les caractéristiques prédites par Eicher et Washburn, est donc le déterminant ovarien, recherché depuis longtemps, chez la souris, et très probablement chez de nombreuses autres espèces de mammifères, dont l'espèce humaine, en raison de la conservation des sites d'épissage alternatif du gène *WT1* chez des vertébrés [35]. Il est intéressant de noter, par exemple,

⁵ Cancer embryonnaire du rein.

⁶ Absence totale ou partielle de l'iris.

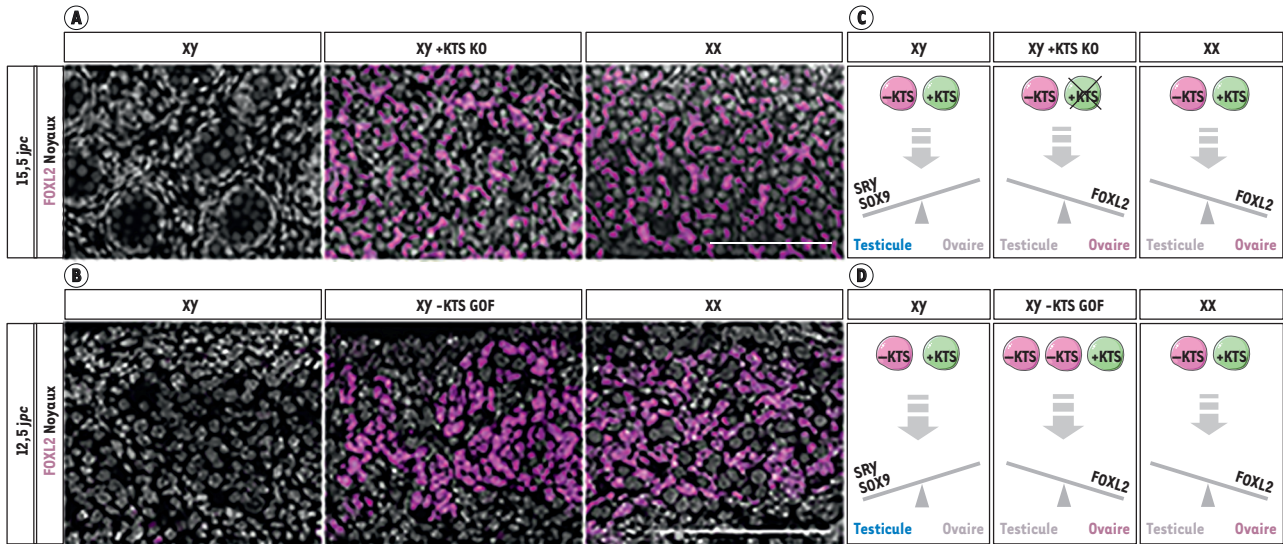


Figure 4. Développement ovarien d'une gonade de souris XY surexprimant l'isoforme -KTS du gène *Wt1*. Expression du marqueur des cellules de pré-granulosa FOXL2 (en magenta) de l'ovaire dans une gonade XY déficiente pour l'isoforme +KTS (XY +KTS KO) à 15,5 jours *post coïtum* (jpc) **A.** et dans une gonade transgénique XY obtenue par gain de fonction de l'isoforme -KTS du gène *Wt1* (XY -KTS GOF) à 12,5 jpc **B.** Barre d'échelle : 100 μ m. **C, D.** Schémas de synthèse du devenir gonadique associé aux génotypes. KO : *knock out* ; GOF : gain-de-fonction.

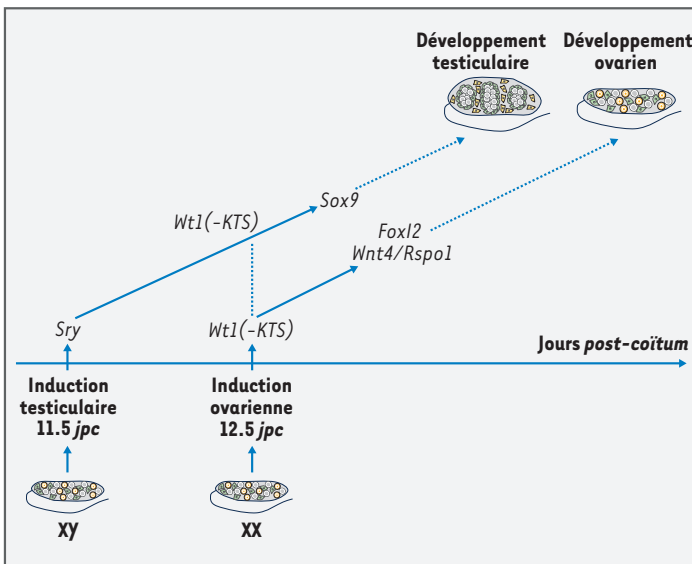


Figure 5. Modèle actualisé de la détermination du sexe à partir de l'hypothèse formulée par Eva M. Eicher et Linda L. Washburn [11]. Les voies de différenciation de la gonade bipotentielle vers un phénotype femelle (ovaire) ou vers un phénotype mâle (testicule) sont déterminées génétiquement. Le déterminant ovarien, l'isoforme -KTS de WT1, également présent chez le mâle, doit être actif après SRY pour que la détermination testiculaire ait lieu. Ce schéma simplifié se concentre sur les acteurs des premières étapes de la détermination du sexe chez la souris. Pour une version complète des acteurs moléculaires de la détermination du sexe, différenciation et maintien de la gonade, voir [40]. jpc : jours *post coïtum*.

qu'une modification du ratio des isoformes +KTS et -KTS en faveur de -KTS se produit lorsque les œufs de *Chelydra serpentina*, une tortue dont la détermination du sexe dépend de la température, sont transférés d'un environnement propice au développement mâle à un environnement avec une température favorisant le développement femelle [38]. L'identification de l'isoforme -KTS de WT1 comme un acteur très précoce du développement gonadique ouvre de nouvelles perspectives de recherche sur le développement ovarien, comme cela a été le cas pour SRY et le développement testiculaire en 1990, et permettra de mieux comprendre les réseaux de gènes régulateurs dont le dysfonctionnement est vraisemblablement à l'origine des nombreux cas de différences du développement sexuel encore non élucidés. \diamond

SUMMARY

Sex determination, it is all about timing

The sex of an individual is determined at the time of fertilization. The mother passes on one sex chromosome, the X chromosome, and the father transmits the second sex chromosome, X or Y. Thus, an XX embryo becomes a female, whereas an XY individual becomes a male. A process known as "primary sex determination" allows the bipotential gonad to become a testis or an ovary in XY and XX embryos, respectively. In 1990, the *Sry* gene, located on the Y chromosome, was found

to be necessary and sufficient to induce the male developmental program. At this time, the scientific community thought that other genes involved in the process of sex determination would be rapidly identified. However, it took more than 30 years to identify the ovarian determining factor. This factor is one variant of WT1, denoted -KTS, which is required to induce ovarian development in XX mice and can prevent male development of the gonad when it is prematurely activated in XY embryos. Because the -KTS variant of WT1 acts very early during development, this discovery opens new avenues for research on ovarian development, as it happened for SRY for testis development. It will also lead to a better understanding of the regulatory gene networks implicated in many unresolved cases of sex development disorders. ♦

LIENS D'INTÉRÊT

Les auteurs déclarent n'avoir aucun lien d'intérêt concernant les données publiées dans cet article.

RÉFÉRENCES

- Stévant I, Papaioannou MD, Nef S. A brief history of sex determination. *Mol Cell Endocrinol* 2018; 468 : 3-10.
- Ford CE, Polani PE, Briggs JH, Bishop PMF. A Presumptive Human XXY/XX Mosaic. *Nature* 1959; 183 : 1030-2.
- Terao M, Ogawa Y, Takada S, et al. Turnover of mammal sex chromosomes in the Sry-deficient Amami spiny rat is due to male-specific upregulation of Sox9. *Proc Natl Acad Sci USA* 2022; 119 : e2211574119.
- Zhao F, Yao HH-C. A tale of two tracts: history, current advances, and future directions of research on sexual differentiation of reproductive tracts. *Biol Reprod* 2019; 101 : 602-16.
- Josso N. Professor Alfred Jost: the builder of modern sex differentiation. *Sex Dev* 2008; 2 : 55-63.
- Jost A. Genetic and hormonal factors in sex differentiation of the brain. *Psychoneuroendocrinology* 1983; 8 : 183-93.
- Gubbay J, Collignon J, Koopman P, et al. A gene mapping to the sex-determining region of the mouse Y chromosome is a member of a novel family of embryonically expressed genes. *Nature* 1990; 346 : 245-50.
- Sinclair AH, Berta P, Palmer MS, et al. A gene from the human sex-determining region encodes a protein with homology to a conserved DNA-binding motif. *Nature* 1990; 346 : 240-4.
- Berta P, Hawkins JB, Sinclair AH, et al. Genetic evidence equating SRY and the testis-determining factor. *Nature* 1990; 348 : 448-50.
- Koopman P, Gubbay J, Vivian N, et al. Male development of chromosomally female mice transgenic for Sry. *Nature* 1991; 351 : 117-21.
- Eicher EM, Washburn LL. Inherited sex reversal in mice: identification of a new primary sex-determining gene. *J Exp Zool* 1983; 228 : 297-304.
- Lavery R, Lardinois A, Ranc-Jianmotamedi F, et al. XY Sox9 embryonic loss-of-function mouse mutants show complete sex reversal and produce partially fertile XY oocytes. *Dev Biol* 2011 ; 354 : 111-22.
- Miyawaki S, Kuroki S, Maeda R, et al. The mouse Sry locus harbors a cryptic exon that is essential for male sex determination. *Science* 2020; 370 : 121-4.
- Hughes IA, Houk C, Ahmed SF, et al. Consensus statement on management of intersex disorders. *Arch Dis Child* 2006 ; 91 : 554-63.
- Eggers S, Sadedin S, van den Bergen JA, et al. Disorders of sex development: insights from targeted gene sequencing of a large international patient cohort. *Genome Biol* 2016 ; 17 : 243.
- Bashamboo A, McElreavey K. Mechanism of Sex Determination in Humans: Insights from Disorders of Sex Development. *Sex Dev* 2016 ; 10 : 313-25.
- Délot EC, Vilain E. Towards improved genetic diagnosis of human differences of sex development. *Nat Rev Genet* 2021 ; 22 : 588-602.
- Nef S, Stévant I, Greenfield A. Characterizing the bipotential mammalian gonad. *Curr Top Dev Biol* 2019 ; 134 : 167-94.
- Gonen N, Futtner CR, Wood S, et al. Sex reversal following deletion of a single distal enhancer of Sox9. *Science* 2018 ; 360 : 1469-73.
- Chaboissier M-C, Kobayashi A, Vidal VIP, et al. Functional analysis of Sox8 and Sox9 during sex determination in the mouse. *Development* 2004 ; 131 : 1891-901.
- Gregoire EP, Stevant I, Chassot AA, et al. NRG1 signalling regulates the establishment of Sertoli cell stock in the mouse testis. *Mol Cell Endocrinol* 2018 ; 478 : 17-31.
- Stévant I, Kühne F, Greenfield A, et al. Dissecting Cell Lineage Specification and Sex Fate Determination in Gonadal Somatic Cells Using Single-Cell Transcriptomics. *Cell Rep* 2019 ; 26 : 3272-83.
- Harikae K, Miura K, Shinomura M, et al. Heterogeneity in sexual bipotentiality and plasticity of granulosa cells in developing mouse ovaries. *J Cell Sci* 2013 ; 126 : 2834-44.
- Chassot AA, Ranc F, Gregoire EP, et al. Activation of beta-catenin signaling by Rspo1 controls differentiation of the mammalian ovary. *Hum Mol Genet* 2008 ; 17 : 1264-77.
- Crisponi L, Deiana M, Loi A, et al. The putative forkhead transcription factor FOXL2 is mutated in blepharophimosis/ptosis/epicanthus inversus syndrome. *Nat Genet* 2001 ; 27 : 159-66.
- Schmidt D, Ovitt CE, Anlag K, et al. The murine winged-helix transcription factor Foxl2 is required for granulosa cell differentiation and ovary maintenance. *Development* 2004 ; 131 : 933-42.
- Parma P, Radi O, Vidal V, et al. R-spondin1 is essential in sex determination, skin differentiation and malignancy. *Nat Genet* 2006 ; 38 : 1304-9.
- Mandel H, Shemer R, Borochowitz ZU, et al. SERKAL syndrome: an autosomal-recessive disorder caused by a loss-of-function mutation in WNT4. *Am J Hum Genet* 2008 ; 82 : 39-47.
- Chassot AA, Bradford ST, Auguste A, et al. WNT4 and RSP01 together are required for cell proliferation in the early mouse gonad. *Development* 2012 ; 139 : 4461-72.
- Maatouk DM, Mork L, Chassot AA, et al. Disruption of mitotic arrest precedes precocious differentiation and transdifferentiation of pregranulosa cells in the perinatal Wnt4 mutant ovary. *Dev Biol* 2013 ; 383 : 295-306.
- Tang F, Richardson N, Albina A, et al. Mouse Gonad Development in the Absence of the Pro-Ovary Factor WNT4 and the Pro-Testis Factor SOX9. *Cells* 2020 ; 9.
- Haber DA, Buckler AJ, Glaser T, et al. An internal deletion within an 11p13 zinc finger gene contributes to the development of Wilms' tumor. *Cell* 1990 ; 61 : 1257-69.
- Hastie ND. Wilms' tumour 1 (WT1) in development, homeostasis and disease. *Development* 2017 ; 144 : 2862-72.
- Barboux S, Niaudet P, Gubler MC, et al. Donor splice-site mutations in WT1 are responsible for Frasier syndrome. *Nat Genet* 1997 ; 17 : 467-70.
- Kent J, Coriat AM, Sharpe PT, et al. The evolution of WT1 sequence and expression pattern in the vertebrates. *Oncogene* 1995 ; 11 : 1781-92.
- Hammes A, Guo JK, Lutsch G, et al. Two splice variants of the Wilms' tumor 1 gene have distinct functions during sex determination and nephron formation. *Cell* 2001 ; 106 : 319-29.
- Gregoire EP, De Cian MC, Migale R, et al. The -KTS splice variant of WT1 is essential for ovarian determination in mice. *Science* 2023 ; 382 : 600-6.
- Rhen T, Fagerlie R, Schroeder A, et al. Molecular and morphological differentiation of testes and ovaries in relation to the thermosensitive period of gonad development in the snapping turtle, *Chelydra serpentina*. *Differentiation* 2015 ; 89 : 31-41.
- Eicher EM, Washburn LL. Genetic control of primary sex determination in mice. *Annu Rev Genet* 1986 ; 20 : 327-60.
- Nagahama Y, Chakraborty T, Paul-Prasanth B, et al. Sex determination, gonadal sex differentiation, and plasticity in vertebrate species. *Physiol Rev* 2021 ; 101 : 1237-308.

TIRÉS À PART

M.C. Chaboissier