



HAL
open science

Rôle du facteur de courbure membranaire IRSp53 dans l'assemblage et le bourgeonnement des particules du VIH-1

Delphine Muriaux

► **To cite this version:**

Delphine Muriaux. Rôle du facteur de courbure membranaire IRSp53 dans l'assemblage et le bourgeonnement des particules du VIH-1. *Médecine/Sciences*, 2022, 38 (3), pp.246-248. 10.1051/medsci/2022018 . hal-03620431

HAL Id: hal-03620431

<https://hal.science/hal-03620431>

Submitted on 25 Mar 2022

HAL is a multi-disciplinary open access archive for the deposit and dissemination of scientific research documents, whether they are published or not. The documents may come from teaching and research institutions in France or abroad, or from public or private research centers.

L'archive ouverte pluridisciplinaire **HAL**, est destinée au dépôt et à la diffusion de documents scientifiques de niveau recherche, publiés ou non, émanant des établissements d'enseignement et de recherche français ou étrangers, des laboratoires publics ou privés.

Rôle du facteur de courbure membranaire IRSp53 dans l'assemblage et le bourgeonnement des particules du VIH-1

Delphine Muriaux

Institut de recherche en infectiologie de Montpellier, CNRS UMR9004, Université de Montpellier, 1919 route de Mende, 34000 Montpellier, France.
delphine.muriaux@irim.cnrs.fr

> La production des particules virales du virus de l'immunodéficience humaine de type 1 (VIH-1) par la cellule infectée résulte-t-elle uniquement de la multimerisation de la polyprotéine virale Gag à la face interne de la membrane plasmique, comme le pensent la plupart des chercheurs [1, 2] ? On sait que la courbure de la membrane plasmique est une caractéristique critique pour la formation de vésicules dans les cellules, et qu'elle est requise pour la formation du nouveau virion VIH-1, dont le diamètre est toujours d'environ 100 à 150 nm. La taille et la forme des virus enveloppés dépendent donc de leur capacité à courber les membranes vers l'extérieur. Dans le cas du rétrovirus VIH-1, la protéine virale Gag est le principal moteur de l'assemblage des virions *via* la reconnaissance puis le recrutement du phospholipide phosphatidylinositol - 4, 5 biphosphate (PIP2), et du cholestérol dans une moindre mesure, au feuillet interne de la membrane plasmique du lymphocyte T infecté [3, 4]. Néanmoins, les résultats de certaines études ont montré que l'auto-assemblage de Gag pourrait ne pas suffire à surmonter la barrière énergétique de courbure et de tension de la membrane cellulaire pour produire la courbure finale de la nouvelle particule virale [5]. De plus, il a été rapporté que l'assemblage et le bourgeonnement de la protéine Gag du VIH-1 à la membrane cellulaire n'est pas très efficace lorsque cette membrane est observée par microscopie TIRF (*total internal reflection fluorescence microscopy*) ; le taux d'échec

de la formation complète des particules virales semble assez élevé [2, 6], ce qui suggère que le bourgeonnement produisant ces particules n'est pas en lui-même un processus très efficace. Grâce à la microscopie de fluorescence par réflexion totale interne, nous avons évalué à cinq minutes le temps d'assemblage de la particule virale du VIH-1 dans les lymphocytes T CD4⁺, puis à 10-15 minutes supplémentaires le temps nécessaire au bourgeonnement total de la particule virale [1, 6], comme cela a été décrit pour les lignées cellulaires adhérentes [2]. Le mécanisme par lequel le virus VIH-1 surmonte la barrière énergétique associée à la formation d'une forte courbure membranaire lors du bourgeonnement viral reste donc à élucider, et une ou plusieurs protéines cellulaires pourraient y contribuer [7]. En effet, de nombreuses protéines ont un rôle majeur dans l'induction ou la reconnaissance des courbures de la membrane plasmique, que ce soit vers l'intérieur ou vers l'extérieur [8]. Nous avons ainsi montré que la protéine d'assemblage Gag du virus est capable de détourner la fonction de courbure membranaire du cofacteur de l'actine corticale IRSp53 (*insulin receptor substrate protein of 53 kDa*) pour compléter l'assemblage de la particule virale [9]. IRSp53 appartient à la famille des protéines à domaine BAR (*Bin/amphiphysin/Rvs*) inversé (I-BAR), spécialisées dans la courbure des membranes pour former des protrusions membranaires dirigées vers l'extérieur de la cellule (par exemple, les filopodes), et dont l'activité dépend

des petites RhoGTPases Rac1 et Cdc42 [8, 10]. Nous avons découvert quelle protéine de la voie de signalisation Rac1-IRSp53-Wave2-Arp2/3, précédemment décrite [7], est impliquée dans la relaxation des particules virales. Nous proposons un mécanisme compatible avec la capacité unique de IRSp53 à interagir spontanément avec les membranes chargées en PIP2 pour les courber localement [8, 9], et à détecter les courbures membranaires négatives [10]. En utilisant des techniques de biologie moléculaire, de biochimie et de biophysique combinées à la microscopie électronique et à la microscopie de fluorescence en super résolution dans des cellules modèles et des lymphocytes T CD4⁺ infectés par le VIH-1, nous avons montré que la protéine Gag du virus VIH-1 s'associe au domaine I-BAR d'IRSp53, dont elle subvertit la fonction de courbure membranaire afin de favoriser la formation complète des particules virales, indépendamment de l'activité des ESCRT (*endosomal sorting complexes required for transport*) impliquées dans le bourgeonnement final de ces particules [1, 9]. Par une technique d'interférence ARN (ARNi) ciblant le gène codant IRSp53, nous avons montré que la réduction de l'expression de ce gène entraîne une diminution de la production des particules virales dans les lymphocytes T CD4⁺ infectés et dans des lignées cellulaires modèles n'exprimant que la protéine d'assemblage Gag. De plus, l'extinction du gène codant IRSp53 entraîne un arrêt du bourgeonnement du virus à mi-parcours (*Figure 1A*). L'analyse

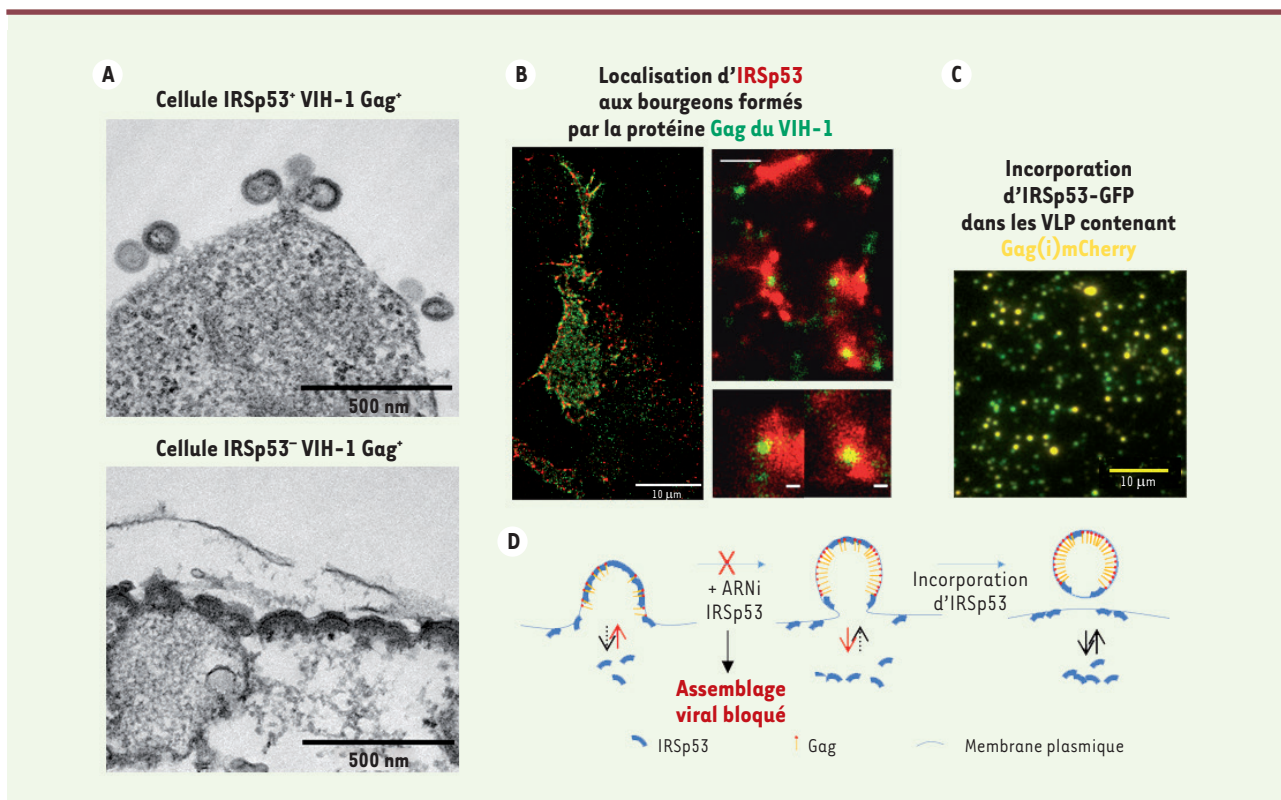


Figure 1. Interaction entre la protéine cellulaire IRSp53 et la protéine Gag du virus VIH-1 au site de bourgeonnement des virions. (A) Images, obtenues par microscopie électronique, du bourgeonnement de la protéine Gag dans des cellules exprimant la protéine IRSp53 (IRSp53⁺) ou dans des cellules où cette expression est inhibée par un ARN interférent (IRSp53⁻). En l'absence de IRSp53, le bourgeonnement des particules virales à la surface des cellules est bloqué. Barre d'échelle = 500 nm. D'après [9]. Crédit photos à Philippe Roingeard (Université de Tours). (B) Images de super-résolution des zones d'assemblage et de bourgeonnement de la protéine Gag et localisation de la protéine IRSp53 à la membrane des cellules, montrant la proximité de IRSp53 (en rouge) avec le site d'assemblage de Gag (en vert) à la surface cellulaire (microscopie TIRF et de super-résolution double couleur PALM/STORM). Barre d'échelle = 10 µm. Crédit images à Kaushik Inamdar (IRIM CNRS Montpellier). (C) Image, obtenue par microscopie TIRF, de particules pseudo-virales (VLP) fluorescentes contenant la protéine de fusion Gag-(i)mCherry (fluorescence rouge) et la protéine de fusion IRSp53-GFP (fluorescence verte). La protéine IRSp53-GFP exogène est incorporée dans toutes les particules formées par Gag et Gag(i)mCherry au cours de leur assemblage (fluorescence jaune). Barre d'échelle = 10 µm. (D) Schéma de la progression de l'assemblage des particules virales à la membrane plasmique des cellules infectées. La déformation membranaire induite par les protéines virales Gag conjointement avec la protéine cellulaire IRSp53 catalyse le bourgeonnement de la particule virale et entraîne l'incorporation de IRSp53 dans cette particule formée de protéines Gag du VIH-1 ou du virus sauvage (voir [9]). En revanche, l'inhibition de l'expression du gène codant IRSp53 par la technique d'interférence ARN (ARNi) empêche le passage de la barrière énergétique permettant la flexion membranaire et entraîne un arrêt de l'assemblage et du bourgeonnement de la particule virale à la membrane de la cellule infectée.

de molécule unique par microscopie de super-résolution en fluorescence [1] nous a ensuite permis de montrer la présence d'IRSp53 à proximité du bourgeon viral, autour des sites d'assemblage de la protéine Gag (Figure 1B), ce qui diffère de la localisation d'une autre protéine I-BAR membranaire de la même famille, IRTKS (*insulin receptor tyrosine kinase substrate*) [9]. Finalement nous avons montré que IRSp53 interagit avec la protéine Gag et est spécifiquement

incorporée dans les particules virales (Figure 1C), à la différence d'IRTKS [9]. Ainsi, la protéine cellulaire IRSp53, qui a la propriété de courber la membrane plasmique, est nécessaire à la progression de la courbure membranaire de la particule virale de VIH-1 en formation (Figure 1D). IRSp53 pourrait jouer des rôles différents et complémentaires à différentes étapes de ce processus d'assemblage des virions, en favorisant l'attraction des oligomères de Gag à la

membrane grâce à la déformation locale de cette dernière ou par recrutement du PIP2 et en abaissant la barrière énergétique de la flexion de la membrane lors de l'assemblage de la particule virale, favorisant ainsi son bourgeonnement. Ces mécanismes moléculaires dépendent vraisemblablement de la présence, dans la membrane plasmique, du phospholipide PIP2, qui se lie à la fois à Gag et à IRSp53. L'expression de Gag dans les lymphocytes T CD4⁺ entraîne une acti-

vation de la protéine Rac1 permettant le maintien de l'accrochage de Gag à la membrane [7] et le recrutement membranaire d'IRSp53 [9]. Finalement, cette étape pourrait s'accompagner de la polymérisation locale de l'actine corticale sous-jacente, avec laquelle IRSp53 interagit. En effet, IRSp53 peut à son tour recruter la protéine WAVE2 (*Wiskott-Aldrich syndrome protein-family verprolin homologous protein 2*), qui déclencherait alors une polymérisation de l'actine corticale facilitant les déformations membranaires [7, 8] et le relargage de la particule virale. ♦

Role of the membrane curvature factor IRSp53 in HIV-1 particle assembly and budding

LIENS D'INTÉRÊT

L'auteure déclare n'avoir aucun lien d'intérêt concernant les données publiées dans cet article.

RÉFÉRENCES

- Inamdar K, Floderer C, Favard C, Muriaux D. Monitoring HIV-1 assembly in living cells : Insights from dynamic and single molecule microscopy. *Viruses* 2019 ; 11 : 72.
- Jouvenet N, Simon SM, Bieniasz PD. Visualizing HIV-1 assembly. *J Mol Biol* 2011 ; 410 : 501-11.
- Favard C, Chojnacki J, Merida P, et al. HIV-1 Gag specifically restricts PI(4,5)P2 and cholesterol mobility in living cells creating a nanodomain platform for virus assembly. *Sci Adv* 2019 ; 5 : eaaw8651.
- Sengupta P, Seo AY, Pasolli HA, et al. A lipid-based partitioning mechanism for selective incorporation of proteins into membranes of HIV particles. *Nat Cell Biol* 2019 ; 21 : 452-61.
- Pak AJ, Grime JMA, Sengupta P, et al. Immature HIV-1 lattice assembly dynamics are regulated by scaffolding from nucleic acid and the plasma membrane. *Proc Natl Acad Sci USA* 2017 ; 114 : E10056-65.
- Floderer C, Masson JB, Boilley E, et al. Single molecule localisation microscopy reveals how HIV-1 Gag proteins sense membrane virus assembly sites in living host CD4 T cells. *Sci Rep* 2018 ; 8 : 16283.
- Thomas A, Mariani-Floderer C, López-Huertas MR, et al. Involvement of the Rac1-IRSp53-Wave2-Arp2/3 signaling pathway in HIV-1 Gag particle release in CD4 T cells. *J Virol* 2015 ; 89 : 8162-81.
- Zhao H, Pykäläinen A, Lappalainen P. I-BAR domain proteins: linking actin and plasma membrane dynamics. *Curr Opin Cell Biol* 2011 ; 23 : 14-21.
- Inamdar K, Tsai FC, Dibsby R, et al. Full assembly of HIV-1 particles requires assistance of the membrane curvature factor IRSp53. *Elife* 2021 ; 10 : e67321.
- Prévost C, Zhao H, Manzi J, et al. IRSp53 senses negative membrane curvature and phase separates along membrane tubules. *Nat Commun* 2015 ; 6 : 8529.