



HAL
open science

Recherche des facteurs à l'origine des contaminations de pruniers par le phytoplasme de l' "Enroulement Chlorotique de l'Abricotier"

Léa Merlet, Nicolas Sauvion, Véronique Marie-Jeanne

► To cite this version:

Léa Merlet, Nicolas Sauvion, Véronique Marie-Jeanne. Recherche des facteurs à l'origine des contaminations de pruniers par le phytoplasme de l' "Enroulement Chlorotique de l'Abricotier". 8. edition of the Printemps de Baillarguet, Jun 2016, Montferrier-Sur-Lez, France. 68 p. hal-01927487

HAL Id: hal-01927487

<https://hal.science/hal-01927487>

Submitted on 3 Jun 2020

HAL is a multi-disciplinary open access archive for the deposit and dissemination of scientific research documents, whether they are published or not. The documents may come from teaching and research institutions in France or abroad, or from public or private research centers.

L'archive ouverte pluridisciplinaire **HAL**, est destinée au dépôt et à la diffusion de documents scientifiques de niveau recherche, publiés ou non, émanant des établissements d'enseignement et de recherche français ou étrangers, des laboratoires publics ou privés.

Recherche des facteurs à l'origine des contaminations de pruniers par le phytoplasme de l'Enroulement Chlorotique de l'Abricotier

Léa MERLET^{1,*}, Nicolas SAUVION¹, Véronique MARIE-JEANNE¹
1. UMR BGPI (INRA, CIRAD, SupAgro), Campus International de Baillarguet, 34398 Montpellier Cedex 05, France.

* Corresponding author : ma.merlet@orange.fr

Abstract L'Enroulement Chlorotique de l'Abricotier (ECA) est une bactériose endémique à l'Europe causée par un phytoplasme parasite du phloème. Celui-ci est disséminé par un vecteur volant, le psylle *Cacopsylla pruni*, qui transmet le phytoplasme en se nourrissant du phloème. L'ECA touche de nombreux *Prunus*, à la fois sauvages et cultivés (abricotiers, pruniers et pruniers japonais) chez qui elle cause un dépérissement incurable. Depuis quelques années de forts taux d'ECA observés sur de jeunes parcelles de prunier japonais ont conduit à une collaboration entre les différents acteurs de la filière prune et les organismes de recherche : INRA et SupAgro.

L'objectif de cette étude est de déterminer l'origine des fortes contaminations observées en vergers de production de prune. Pour répondre à cette question deux hypothèses sont étudiées : une contamination d'origine naturelle via le vecteur, et/ou une contamination d'origine humaine, par multiplication végétative.

Une approche de génétique des populations par génotypage du phytoplasme permettra tout d'abord de mettre en évidence d'éventuels flux de pathogène entre les différents compartiments du pathosystème (hôte sauvage, hôte cultivé, insecte vecteur). Ces informations seront croisées avec les résultats d'une enquête de traçabilité sur l'origine des plants des parcelles infectées.

Les premiers résultats suggèrent des contaminations à la fois d'origine naturelle et humaine pendant la production des plants. L'analyse des processus et dispositifs de production et de certification des plants de prunier, ainsi qu'un travail avec les pépiniéristes, permettra *in fine* la mise en place de mesures visant à sécuriser la production de plants vis-à-vis de l'ECA.

Keywords : Phytoplasme, vection entomophile, flux de gènes, analyse phylogénétique, enquête de terrain