



**HAL**  
open science

## **Découverte de variants (SNPs) et génotypage à partir de données RNA-seq chez le peuplier noir**

Odile Rogier, Souhila Amanzougarene, Marie-Claude Lesage Descauses, Sandrine Balzergue, Veronique Brunaud, José Caius, Ludivine Soubigou-Taconnat, Véronique Jorge, Vincent Segura

### ► To cite this version:

Odile Rogier, Souhila Amanzougarene, Marie-Claude Lesage Descauses, Sandrine Balzergue, Veronique Brunaud, et al.. Découverte de variants (SNPs) et génotypage à partir de données RNA-seq chez le peuplier noir. Colloque EPGV 2016 "Détection, Gestion et Analyse du Polymorphisme des Génomes Végétaux", Oct 2016, Angers, France. <hal-01603542>

**HAL Id: hal-01603542**

**<https://hal.science/hal-01603542v1>**

Submitted on 5 Jun 2020

**HAL** is a multi-disciplinary open access archive for the deposit and dissemination of scientific research documents, whether they are published or not. The documents may come from teaching and research institutions in France or abroad, or from public or private research centers.

L'archive ouverte pluridisciplinaire **HAL**, est destinée au dépôt et à la diffusion de documents scientifiques de niveau recherche, publiés ou non, émanant des établissements d'enseignement et de recherche français ou étrangers, des laboratoires publics ou privés.

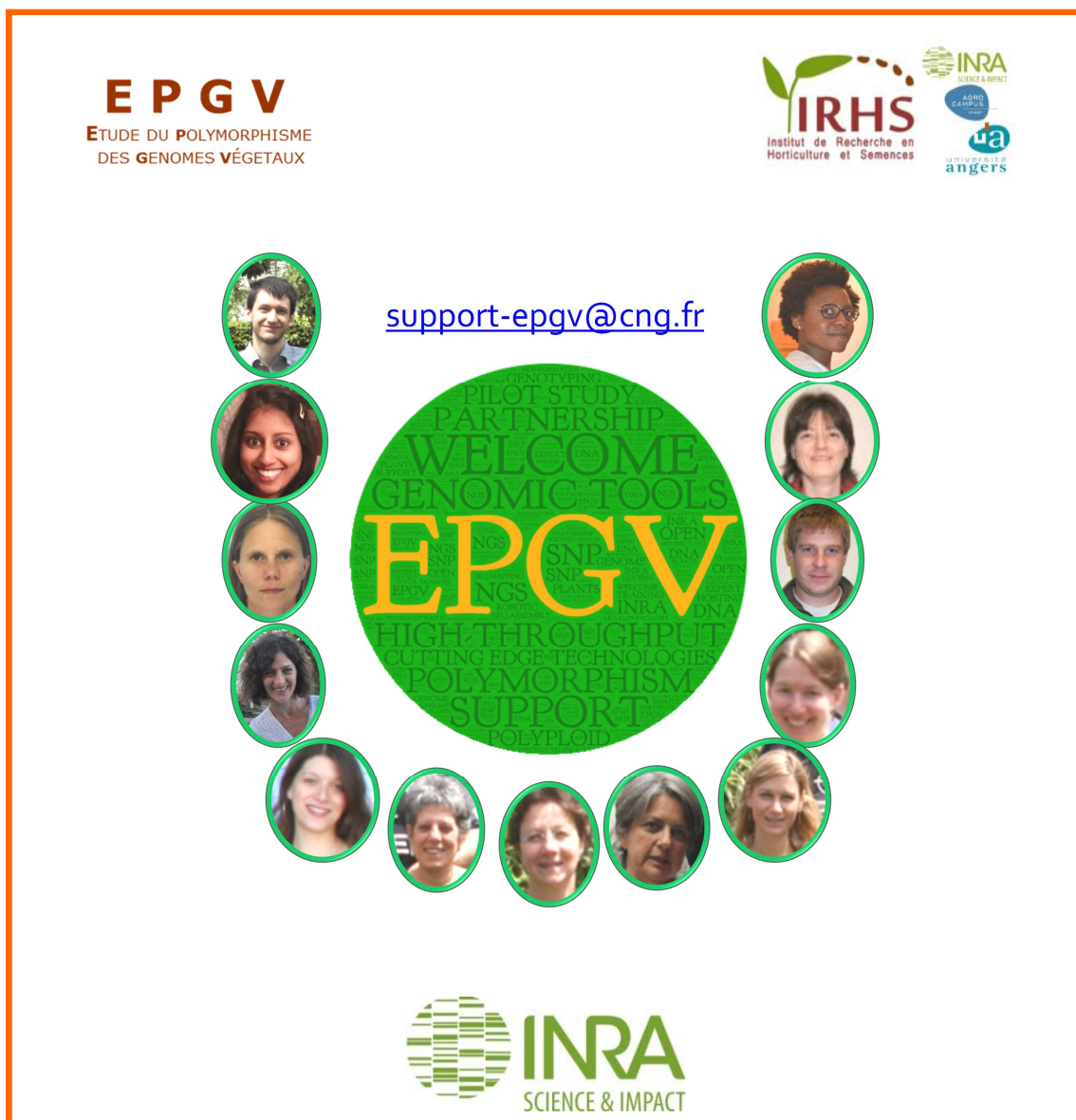


Distributed under a Creative Commons CC BY-SA 4.0 - Attribution - ShareAlike - International License

# COLLOQUE EPGV\_2016

## DETECTION, GESTION ET ANALYSE DU POLYMORPHISME DES GENOMES VEGETAUX

05 – 06 – 07 octobre, Angers



The poster features a central green circle containing the acronym 'EPGV' in large yellow letters. Surrounding this central circle are 18 small circular portraits of individuals, arranged in a ring. The background of the central circle is filled with various scientific terms related to genomics and plant genetics, such as 'GENOTYPING', 'PILOT STUDY', 'PARTNERSHIP', 'WELCOME', 'GENOMIC TOOLS', 'HIGH THROUGHPUT', 'CUTTING EDGE TECHNOLOGIES', 'POLYMORPHISM', 'SUPPORT', 'POLYPLOIDY', 'NGS', 'SNP', 'DNA', and 'RNA'. Above the central graphic, the text 'support-epgv@cng.fr' is displayed in blue. In the top left corner, the acronym 'EPGV' is written in large brown letters, with the full name 'ETUDE DU POLYMORPHISME DES GENOMES VÉGÉTAUX' below it. In the top right corner, there are logos for 'IRHS Institut de Recherche en Horticulture et Semences', 'INRA SCIENCE & IMPACT', 'AGRO CAMPUS OUEST', and 'univ. angers'. At the bottom center, the 'INRA SCIENCE & IMPACT' logo is prominently displayed.

**EPGV**  
ETUDE DU POLYMORPHISME  
DES GENOMES VÉGÉTAUX

[support-epgv@cng.fr](mailto:support-epgv@cng.fr)

**IRHS**  
Institut de Recherche en  
Horticulture et Semences

**INRA**  
SCIENCE & IMPACT

**AGRO CAMPUS OUEST**

**univ. angers**

---

Mercredi 5 octobre

---

12:45 Accueil des participants au Bon Pasteur, salle Notre-Dame

13:30

**Ouverture du Colloque**

**Marie-Christine Le Paslier** – INRA EPGV, Evry

**Session I – Variants nucléotidiques**

13:40 Polymorphisme de gènes candidats chez les rosiers sélectionnés au XIXe siècle en France

**Jérémy Clotault** – Université/INRA IRHS, Angers

14:00 Combining bulk segregant analysis with high-throughput sequencing to clone quantitative trait mutations: first results on early flowering F7p mutation

**Stéphane Nicolas** – INRA-GQE-Le Moulon, Gif sur Yvette

14:20 Découverte de variants (SNPs) et génotypage à partir de données RNA-seq chez le peuplier noir

**Odile Rogier** – INRA AGPF, Orléans

14:40 Apport du GBS chez les espèces fourragères

**Philippe Barre** – INRA URP3F, Lusignan

15:00 L'héritage napoléonien dans les populations de peuplier noir

**Véronique Jorge** – INRA AGPF, Orléans

15:20

**Discussion**

15:40

Pause

16:00 Densification du génotypage pour la sélection génomique chez le peuplier noir

**Marie Pegard** – INRA AGPF, Orléans

16:20 50K vs GBS vs 600K pour la détection de QTL par GWAS

**Sandra Negro** – AgroParisTech/INRA--GQE-Le Moulon, Gif sur Yvette

16:40 High-throughput genotyping in hexaploid wheat using the BreedWheat Axiom 420K SNP array

**Jonathan Kitt** – INRA GDEC, Clermont Ferrand

17:00 Génotypage SNP haut débit : retour d'expérience sur puces AXIOM 50k et 600k chez le tournesol

**Nicolas Pouilly** – INRA LIPM, Toulouse

17:15 Puce de génotypage Infinium multi-espèces vs mono-espèce : bilan

**Aurélie Bérard** – INRA EPGV, Evry

17:30 Seq vs puce: quels challenges aujourd'hui ?

**Dominique Brunel/Patricia Faivre Rampant** – INRA EPGV, Evry

17:40

**Discussion**

18:00

Clôture J1 - Temps libre

18:45

*Autour de l'apéritif*

19:30

*Dîner à l'Hostellerie*

---

Jeudi 6 octobre

---

8:20 Accueil des participants

**Session II – Variants structuraux**

8:30 CNV chez l'épicea : détections et conséquences évolutives

**John MacKay** – University of Oxford, UK

8:55 Deciphering the contribution of Present/Absent variants to genetic diversity and traits using a 100k maize high-throughput array

**Clément Mabire** – INRA--GOE-Le Moulon, Gif sur Yvette

9:15 Characterization of large structural variations using large insert size Illumina mate-pair resequencing data

**Guillaume Martin** – CIRAD, Montpellier

9:35 Genome-wide analysis of the maize FV2 inbred line Presence/Absence Variants and their implication in European maize genetic originality

**Johann Joets** – INRA--GOE-Le Moulon, Gif sur Yvette

9:55 Étude d'une famille de gènes R dans le genre Vitis par analyse de CNV

**Guillaume Barnabe** – INRA SVQV, Colmar

10:15 **Discussion**

10:35 Pause

**Session III – Epigénétique**

10:55 Analyse du méthylome : retour d'expérience !

**Stéphane Maury** – LBLGC, Université, Orléans

11:15 Variation du méthylome entre lignées de maïs

**Clémentine Vitte** – CNRS-GOE-Le Moulon, Gif sur Yvette

**, Session IV – Hors sentiers battus**

11:35 Développement de ressources moléculaires chez l'espèce orpheline *Lavandula angustifolia* (lavande fine) pour la mise en place de nouvelles stratégies de sélection

**Berline Fopa-Fomeju** – INRA EPGV, Evry/Vegepolys, Angers

11:55 Le DNA barcoding : un outil à développer pour étudier les processus de pollinisation

**Jean-Noël Galliot** – INRA EPGV, Evry/UMRH Theix

12:15 **Discussion**

12:30 *Déjeuner au self de l'Hostellerie*

14:00 En route pour le centre INRA de Beaucozé

**Session V – Découvertes angevines-IRHS**

14:40 Présentation générale de l'IRHS (salle Authion, nouveau bâtiment)

**Jean-Pierre Renou**

15:00 Visite bâtiment recherche : Plateau ANAN/IMAC (60 min),

**Muriel Bahut**

16 :00 Visite UE : collection Pommiers (30 min)– Rosiers (20 min)

**Arnaud Guyader, Laurence Feugey**

17 :00 Visite INEM (45 min) Visite vente de pommes

**Fabrice Foucher, Tatiana Thouroude, Alix Pernet**

**R.Gardet, Jean-Pierre Renou**

17:45 Clôture j2 - Temps libre

18:30 *Proposition de promenade/découverte sur Angers - RDV face au Château*

19:30 *Dîner Festif à la Galerie David d'Angers*

---

Vendredi 7 octobre

---

8:50 Accueil des participants

### Session VI – Ciblage génomique

9:00 RenSeq : méthodologie et application chez le Blé

Clémence Marchal – INRA IaM, Nancy/JIC, UK

9:20 Vers une meilleure compréhension des génomes végétaux : d'une organisation globale à une région ciblée

Céline Chantry-Darmon – INRA CNRGV, Toulouse

### Session VII – Séquence de génomes

9:40 Séquençage de génome en 2017-2018  
Oxford Nanopore Technology : Données et applications

Jean-Marc Aury – CEA-IG, Evry

10:10 Extraction ADN de haut poids moléculaire & SeQuel (PacBio)

Charles Poncet/Valérie Gautier – INRA Gentyane, Clermont Ferrand

10:30 Discussion

10:50 Pause

11:20 The apple reference genome and epigenome

Etienne Bucher – INRA IRHS, Angers

11:40 Séquençage *de novo* du génome du tournesol

Stéphane Muñoz – INRA LIPM, Toulouse

12:00 Bread Wheat Whole Genome Sequence Assembly

Frederic Choulet – INRA GDEC, Clermont-Ferrand

12:20 Stratégie de séquençage et de génotypage SNP haut débit du génome hautement polyploïde de la canne à sucre

Olivier Garsmeur – CIRAD, Montpellier

12:40 Discussion

13:00 Fin du Colloque

13:00 Paniers Pique-nique

Merci pour votre participation

A très bientôt !

L'unité EPGV