



HAL
open science

Dynamique évolutive des effecteurs chez les champignons phytopathogènes: re-séquençage de deux souches de *Leptosphaeria maculans*.

Jonathan J. Grandaubert, Marie-Helene Balesdent, Thierry T. Rouxel

► To cite this version:

Jonathan J. Grandaubert, Marie-Helene Balesdent, Thierry T. Rouxel. Dynamique évolutive des effecteurs chez les champignons phytopathogènes: re-séquençage de deux souches de *Leptosphaeria maculans*.. Séminaire de restitution AIP Bioressources, Feb 2013, Paris, France. hal-01004296

HAL Id: hal-01004296

<https://hal.science/hal-01004296>

Submitted on 6 Jun 2020

HAL is a multi-disciplinary open access archive for the deposit and dissemination of scientific research documents, whether they are published or not. The documents may come from teaching and research institutions in France or abroad, or from public or private research centers.

L'archive ouverte pluridisciplinaire **HAL**, est destinée au dépôt et à la diffusion de documents scientifiques de niveau recherche, publiés ou non, émanant des établissements d'enseignement et de recherche français ou étrangers, des laboratoires publics ou privés.

Programme

Jeudi 7 février

9:30 *Accueil des participants*

10:00 Introduction 30mn F. Houllier
Présentation générale de l'AIP Bioressources 15 mn D. Boichard

Session I : Séquençage de génome

10:45 **GENOWINE** : Occurrence et diversité des transferts horizontaux chez les levures œnologiques 25mn S. Dequin

SalSePatho : causes moléculaires de la différence de pathogénie pour la volaille de différents sérotypes de salmonella. 25 mn O. Grépinet

TENACIBACULUM Tenacibaculum genomics : Etude des bactéries pathogènes des poissons marins du genre Tenacibaculum. 25 mn E. Duchaud

12:00 *Déjeuner Buffet en salle de réception puis séance posters*

14:00 **LEPTOR** : Dynamique évolutive des effecteurs chez les champignons phytopathogènes : re-séquençage de deux souches de Leptosphaeria maculans 25 mn T. Rouxel

RosaGenom : Le génome du rosier, une plante ornementale modèle. 25 mn M. Bendahmane

SEQLUZ : Séquençage du génome d'une luzerne cultivée (Medicago sativa) sur la base de la séquence génomique de la légumineuse modèle M. truncatula. 25 mn J. Gouzy

GENOAK : Développement de ressources génomiques chez le chêne C. Bodenes

15:40 *Pause – séance posters*

Session II : Métagénomique

16:30 **Pyromic-GenoSol** : caractérisation des ressources génétiques microbiennes des sols du conservatoire GenoSol. 25 mn L. Ranjard

IxoMIC : Caractérisation génétique d'Ixodes ricinus et de son microbiote. 25 mn O. Plantard

VirOr Diversité virale chez les plantes ornementales et impact sur la dissémination des virus. 25 mn E. Verdin

Session III : Expression génique

17:45 **SOS-RNA** : Sex-, Organ- and Species-dependent gene expression by RNA-seq. 25 mn S. Lagarrigue

CAT-Seq : Complete Arabidopsis Transcriptome RNA-Seq S. Balzergue

DEV-Seq : DEveloppements de nouvelles méthodes d'analyse des ARN par RNAseq. 25 mn

BioFoll : Biomarqueurs de la folliculogenèse basale chez la brebis. 25 mn A. Bonnet

19:00 *Fin de la journée*

19:30 *Dîner à l'hôtel Novotel Paris Montparnasse*

Programme

Vendredi 8 février

8:45 *Accueil des participants*

Session III: Expression génique

9:00 **SystemSun** : inférence des réseaux de régulation transcriptomique par les hormones et analyse de leur évolution. 25 mn N. Langlade

SeedEx : Deep sequencing of the seed transcriptome of the monocots Brachypodium, maize and wheat. 25 mn P. Rogowsky

PathoRNA : Ralstonia solanacearum pathogenic transcriptome. 25 mn S. Genin

10:15 *Pause – séance posters*

Session IV: Petits ARN

11:15 **MammoMirSeq** : Impact des microARN sur la lactation. 25 mn F. Le Provost

MicroTrout Recherche et analyse de microARNs chez la truite Arc-en-ciel. 25 mn Y. Guiguen

Session V : CRB

12:10 **CRB CIRM** : Caractérisation de la biodiversité microbienne du Centre de Ressources Biologiques CIRM. 25 mn S. Casaregola

PseudoType. Authentification des ressources de la CFBP. 25 mn P. Portier

13 :15 *Repas au self*

Session VI : Génotypage

14:15 **DELIBOGEM** : Analyse du déséquilibre de liaison entre races bovines pour une sélection génomique multi- raciale. 25 mn D. Boichard

IMMOPIG-SNP : Etude de l'architecture génétique des caractères immuns chez le porc. 25 mn J. Estellé

DLBlé : Déséquilibre de liaison et sélection génomique chez le blé tendre. 25 mn E. Paux

15 :30 **Discussion générale**

16:00 **Fin du séminaire**

Séance posters

Séquençage de génome

Poster 1	CHICK-SEQ - Utilisation des NGS pour la caractérisation génétique de lignées de poulets divergentes et l'identification de mutations causales sous-jacentes à des QTL	S. Lagarrigue
Poster 2	EVOLCOMP : Comparaison évolutive entre deux espèces du genre <i>Acyrtosiphon</i> séparées par un événement de spéciation récent	C. Rispe
Poster 3	Phytevol : Génomique comparative de la spécificité parasitaire de l'oomycète <i>Phytophthora parasitica</i>	F. Panabières
Poster 4	Yalip : Décrypter le métabolisme lipidique des levures oléagineuses	C. Neuvéglise

Métagénomique

Poster 5	METAPHORE : Métagénomique de la phyllosphère des arbres forestiers.	C. Vacher
Poster 6	RAHM : Reconstitution du Régime Alimentaire d'Herbivores domestiques pâturant des prairies à flore complexe à partir du DNA-Metabarcoding	A. Farruggia

Expression génique

Poster 7	DLiverS : Duck Liver RNA-Sequencing	C. Diot
Poster 8	CHIPSTRAFFIC : Identification des gènes cibles de facteurs de transcription bovins par ChIP et ChIP-seq dans l'endomètre et les tissus extra-embryonnaires à l'implantation	O. Sandra
Poster 9	Prifastem : Rôle des protéines "prion" au cours de l'embryogénèse	J-L. Vilotte
Poster 10	EGELYS : Développement de ressources génomiques pour l'étude du potentiel évolutif des systèmes moléculaires de défense vis-à-vis du stress, chez un gastéropode d'eau douce (<i>Lymnaea stagnalis</i>).	M-A. Coutellec
Poster 11	REGEX : Identification, cibles et diversité des régulateurs expressionnels majeurs impliqués dans la production de biomasse chez le peuplier	V. Jorge
Poster 12	Weedomics 2012 : Application de la transcriptomique à l'étude de traits adaptatifs chez des espèces végétales non-modèles (adventices)	C. Délye

Protéomique

Poster 13	NécroPhos : Phosphoprotéomes des champignons nérotrophes <i>Botrytis cinerea</i> et <i>Alternaria brassicicola</i> .	S. Fillinger
-----------	--	--------------

CRB

Poster 14	RegenCRG : Réhabilitation d'une serre à cases pour la régénération de semences d'accessions de ressources génétiques en situation d'isolement pollinique	P. Barré
Poster 15	CRYOPISCES : Cryoconservatoire des ressources piscicoles : établissement des collections INRA et développement des biotechnologies de régénération	C. Labbé
Poster 16	CRB-AVI : Ressources génétiques légumières et fruitières	C. Sauvage

Génotypage

Poster 17	GENOCOT : Génotypages SNP chez <i>Coturnix</i>	F. Pitel
Poster 18	EntéroGen : Recherche de QTLs impliqués dans l'allongement intestinal des souris PRM/Alf	G. Aubin-Houzelstein
Poster 19	SELTRYP : Caractérisation génétique et identification fine des signatures de sélection dans le génome des races bovines ouest-africaines à partir de SNPs à très haute densité (770K).	L. Flori
Poster 20	GOFORSNP : Développement et cartographie génétique de marqueurs SNP chez le colza (<i>Brassica napus</i>)	R. Delourme
Poster 21	LDCorePom : Etendue du déséquilibre de liaison dans une core collection de variétés anciennes de pommier	C-E. Durel
Poster 22	HELIAGENE_2 : Contribution au projet international de séquençage du tournesol <i>Helianthus annuus</i> .	P. Vincourt
Poster 23	DARClimate : Développement d'outils moléculaires dédiés à l'amélioration des complexes d'espèces fourragères en réponse au changement climatique	M. Ghesquière