



**HAL**  
open science

## Modélisation de la régulation de la stoechiométrie des fermentations ruminales par la disponibilité en ATP et en NADH<sub>2</sub>

Daniel Sauvant, Jaap J. van Milgen, Philippe Lescoat

► **To cite this version:**

Daniel Sauvant, Jaap J. van Milgen, Philippe Lescoat. Modélisation de la régulation de la stoechiométrie des fermentations ruminales par la disponibilité en ATP et en NADH<sub>2</sub>. *Annales de zootechnie*, 1995, 44 (Suppl1), pp.167-167. hal-00889329

**HAL Id: hal-00889329**

**<https://hal.science/hal-00889329>**

Submitted on 11 May 2020

**HAL** is a multi-disciplinary open access archive for the deposit and dissemination of scientific research documents, whether they are published or not. The documents may come from teaching and research institutions in France or abroad, or from public or private research centers.

L'archive ouverte pluridisciplinaire **HAL**, est destinée au dépôt et à la diffusion de documents scientifiques de niveau recherche, publiés ou non, émanant des établissements d'enseignement et de recherche français ou étrangers, des laboratoires publics ou privés.

## Modélisation de la régulation de la stoechiométrie des fermentations ruminales par la disponibilité en ATP et en NADH2

D Sauvant <sup>1</sup>, J Van Milgen <sup>2</sup>, P Lescoat <sup>1</sup>

<sup>1</sup>Laboratoire INRA, INAPG, Institut National Agronomique Paris-Grignon, 75231 Paris Cedex 05 ;  
<sup>2</sup>INRA, SRNH et SRP, St-Gilles, 35590 L'Hermitage, France

La plupart des modèles mécanistes du rumen publiés (Baldwin *et al*, 1987, J Dairy Res, 54, 107-131 ; Danfaer, 1990, Thesis, Report 671, NIAS, Foulum, Denmark ; Dijkstra *et al*, 1992, J Nutr, 122, 2239-2256) supposent que la répartition des flux de carbone (C) entre les voies fermentaires est fixée sur la base des équations stoechiométriques de Murphy *et al* (1982, J Anim Sci, 55, 411-421). Cependant, de nombreuses expériences ont montré que cette répartition était variable en fonction vraisemblablement de mécanismes de régulations cellulaires. Un modèle mécaniste dynamique, de pas de temps d'intégration d'1 min, a été établi sur le principe que la disponibilité en énergie des cellules microbiennes, évaluée par le rapport ATP/ADP, modifiait, de façon rétroactive, la répartition de C entre les voies fermentaires de manière à maintenir un rapport ATP/ADP dans une fourchette de variation limitée. Le même principe a été appliqué pour la disponibilité en hydrogène évaluée par le rapport NADH2/NAD. Les flux d'échanges entre les compartiments ATP et ADP, d'une part, et NADH2 et NAD, d'autre part, ont été calculés sur la base des rendements des différentes voies biochimiques cellulaires connues. Ainsi les productions molaires d'ATP et de NADH2 par C terminal, considérées sans tenir compte de la méthanogénèse, sont différentes entre l'acétate (1,0 et 0,95) le butyrate (0,72 ; 0,25) le propionate (0,66 ; -0,3) et les acides gras mineurs (0,12 ; 0,0). Les variations des flux de C (FCi) impliqués dans les différentes voies fermentaires sont

supposées être des fonctions des disponibilités en énergie et hydrogène selon des lois de Michaelis :  $FCi = FCimax (1 + k1 (ATP/ADP)^{h1} + k2 (NADH2 / NAD)^{h2})^{-1}$ . Les valeurs de FCimax sont fixées de manière à ce que les proportions molaires des 4 acides cités soient respectivement de 66, 8, 22 et 4%. Les valeurs des quatre autres paramètres permettent d'appliquer les principes de régulation évoqués ci-dessus. Ainsi une carence énergétique favorise la voie de l'acétate tandis qu'un excès d'énergie active les voies de synthèse des AGV plus longs. Cependant, le principal problème rencontré concerne la détermination des valeurs de ces paramètres qui a été faite par approximations successives compte tenu du manque de données expérimentales.

Le flux de CO<sub>2</sub> correspond au tiers des flux de C impliqués pour la synthèse d'acétate, de butyrate et des acides mineurs. Le flux de CH<sub>4</sub> dépend du flux de CO<sub>2</sub> mais également d'un indice de développement des bactéries méthanogènes et du rapport NADH2/NAD du rumen.

Ces différents principes sont intégrés dans un modèle plus vaste (42 compartiments) de la digestion ruminale. Malgré les difficultés rencontrées pour déterminer les valeurs des paramètres, le modèle fournit des résultats réalistes de l'influence du régime sur le profil des AGV et sur l'évolution post prandiale de ce profil et celle des gaz du réticulo-rumen.